[DOI] 10.12016/j.issn.2096-1456.2018.05.004

・基础研究・

# 巨噬细胞介导的炎性微环境对牙周膜细胞增殖和成骨分化的影响

郑秀梅1, 黄文霞2

1. 厦门医学院附属口腔医院种植科,福建厦门(361001); 2. 厦门医学院附属口腔医院牙周科,福建厦门(361001)

【摘要】目的 研究巨噬细胞介导的炎性微环境对牙周膜细胞(periodontal ligament cells, PDLCs)增殖和成骨分化的影响。方法 通过 1 µg/mL脂多糖(lipopolysaccharide, LPS)激活 RAW264.7 巨噬细胞得到含炎性因子的条件培养基模拟体内炎性微环境,原代分离培养 PDLCs,分别在条件培养基(LPS-CM组),普通培养基(Ctrl组)下培养 PDLCs,MTT 法检测 PDLCs 的增殖情况;加入成骨诱导剂共培养 3 d、7 d,碱性磷酸酶(alkaline phosphatase, ALP)试剂 盒检测 ALP 活性,Real-time PCR 检测 Runt 相关基因 2 (runt-related transcription factor 2, RUNX2)、骨钙素 (osteocalcin, OCN)、I型胶原(collagen I, COL-I)mRNA 的表达,Western Blot 检测 RUNX2、OCN、COL-I 蛋白表达水平;成骨诱导 14 d 茜素红染色观察钙化结节。分析比较 2 组 PDLCs 增殖和成骨分化的差异。 结果 MTT 法检测,LPS-CM组 PDLCs 的 OD 值低于 Ctrl组 (P < 0.05);相同时间点 LPS-CM组的 RUNX2、OCN、COL-I 基因的 mRNA表达均低于 Ctrl组 (P < 0.05),蛋白表达,除了 OCN 3 d 两组比较无统计学意义 (t = 2.75, P = 0.056)外,其余显示相应的 RUNX2、OCN、COL-I 的蛋白表达量 LPS-CM组低于 Ctrl组 (P < 0.05);ALP 活性检测,LPS-CM组 ALP 活性高于 Ctrl组,分别是 3 d时 1.58 倍 (t = 5.91, P = 0.030);7 d时为 1.29 倍 (t = 6.01, P = 0.046);14 d钙化结节 LPS-CM组少于 Ctrl组,差异有统计学意义 (t = 8.63, P = 0.048)。结论 巨噬细胞介导的炎性微环境抑制 PDLCs 的增殖与成骨分化。

【关键词】 巨噬细胞; 脂多糖; 牙周膜细胞; 炎性微环境; 成骨分化; 碱性磷酸酶; 骨钙素; I型胶原蛋白

【中图分类号】 R781.4 【文献标志码】 A 【文章编号】 2096-1456(2018)05-0297-07

【引用著录格式】 郑秀梅, 黄文霞. 巨噬细胞介导的炎性微环境对牙周膜细胞增殖和成骨分化的影响[J]. 口腔疾病防治, 2018, 26(5): 297-303.

Effects of inflammatory microenvironment mediated by macrophage on the proliferation and osteogenic differentiation of periodontal ligament cells 

ZHENG Xiumei<sup>1</sup>, HUANG Wenxia<sup>2</sup>. 1. Department of Implantology, Stomatologic Hospital of Xiamen Medical college, Xiamen 361001, China; 2. Department of Periodontology, Stomatologic Hospital of Xiamen Medical College, Xiamen 361001, China

Corresponding author: HUANG Wenxia, Email: 1043200243@qq.com, Tel: 0086-592-2678591

[Abstract] Objective The present study investigated the effects of the inflammatory microenvironment mediated by macrophages on the proliferation and osteogenic differentiation of periodontal ligament cells (PDLCs). Methods Conditioned medium containing inflammatory factors was collected following macrophage activation with 1 µg/mL lipopolysaccharide (LPS). PDLCs were isolated from healthy teeth and cultured in conditioned medium (LPS-CM group) or normal medium (control group), and the proliferation of PDLCs was detected using the MTT assay. The cells were cocultured with an osteogenic inducer for 3 d and 7 d, and the alkaline phosphatase (ALP) activity of PDLCs was detected us-

【收稿日期】2017-09-03; 【修回日期】2017-10-01

【基金项目】厦门市医学院附属口腔医院院内课题项目基金

【作者简介】郑秀梅,副主任医师,硕士, Email:zhengxiumei369@163.com

【通信作者】黄文霞,主任医师,学士, Email: 1043200243@qq.com

ing an ALP kit. The mRNA expression levels of runt-related transcription factor 2 (RUNX2), osteocalcin (OCN), and collagen I (COL-I) were detected using real-time PCR, and the protein levels of RUNX2, OCN, and COL-I were detected using Western blotting. Mineralization nodules were observed using Alizarin red staining after osteoinduction for 14 d. **Results** The OD value of PDLCs in the LPS-CM group was lower than that in the control group (P < 0.05). The mRNA levels of RUNX2, OCN, and COL-I in the LPS-CM group were lower than those in the control group (P < 0.05). In addition to the OCN 3 d group (t = 2.75, P = 0.056), the protein expression of RUNX2, OCN, and COL-I in the LPS-CM group was lower than that in the control group (P < 0.05). However, the ALP activity of the LPS-CM group was higher than that of the control group, which was 1.58-fold greater (t = 5.91, P = 0.030) at 3 d and 1.29-fold greater (t = 6.01, P = 0.046) at 7 d. The number of calcified nodules in the LPS-CM group was significantly less than that in the control group (t = 8.63, t = 0.048). **Conclusion** The inflammatory microenvironment mediated by macrophages may inhibit the proliferation and osteogenic differentiation of PDLCs.

[Key words] Macrophage; Lipopolysaccharide; Periodontal ligament cells; Inflammatory microenvironment; Osteogenic differentiation; Alkaline phosphatase; Osteocalcin; Collagen I

-

牙周膜细胞(periodontal ligament cells, PDLCs)是牙周膜的主体细胞,具有自我更新和多向分化的能力<sup>[1]</sup>,其数量和活性是牙周组织再生的关键。众所周知牙周炎发展过程中细菌介导的免疫应答是牙周组织破坏迅速和再生修复困难的主要原因,而单核/巨噬细胞在机体促炎和抗炎的免疫平衡中起了控制开关的作用<sup>[2]</sup>,其与牙周组织吸收破坏的关系早已引起人们的重视<sup>[3]</sup>,但与牙周组织再生的关系鲜有报道。本文用脂多糖激活巨噬细胞,收集含巨噬细胞细胞因子的上清液模拟体内炎性微环境,检测其对PDLCs增殖和成骨分化的影响,从免疫方面为牙周病的治疗提供理论依据。

# 1 材料和方法

#### 1.1 主要实验试剂和仪器

巨噬细胞 RAW264.7 (ATCC, 美国); α-MEM、DMEM、胎牛血清(fetal bovine serum, FBS)、胰蛋白酶(Gibco, 美国); 噻唑盐[3-(4,5-Dimethylthiazol-2-yl)-2,5-diphenyltetrazolium bromide, MTT](Sigma, 美国); 二甲基亚砜(dimethyl sulfoxide, DMSO)(Thermo Fisher Scientific, 美国); SYBR Premix Ex Taq TM 试剂盒(Takara, 日本); 蛋白定量试剂盒(Thermo Scientific, 美国); 碱性磷酸酶活性试剂盒(Abcam, 美国); E.coli 脂多糖(lipopolysaccharide, LPS)(Sigma, 美国); 倒置相差显微镜及照相系统(Olympus, 日本); CO<sub>2</sub> 细胞培养孵箱(Sanyo, 日本); 实时荧光定量 PCR 仪(QuantStudio 7 Flex, 美国)。

# 1.2 细胞培养基和矿化诱导剂 DMEM 培养巨噬细胞,α-MEM 培养 PDLCs。所

用培养基均加入 100 U/ mL青霉素、100 mg/ mL链霉素和 10% FBS。 PDLCs 矿化诱导剂为 1.8 mM β-甘油磷酸钠、50 μg/ mL维生素 C、10 nM 地塞米松。

1.3 收集脂多糖条件培养基(LPS conditioned medium, LPS-CM)

将小鼠来源巨噬细胞 RAW264.7 按照 2 × 10° 个/mL 接种于 T175 培养瓶,待细胞贴壁后用 1 μg/mL的 LPS 刺激 4 h,弃去瓶内培养基和未贴壁的细胞, PBS 清洗两遍,换用 15 mL 无 FBS 的 DMEM 培养基孵育 12 h 后收取瓶内培养基,在离心机中以 5 000 rpm 离心 10 min 后收取上清液即为本实验所用 LPS-CM,分装于-80 ℃冰箱备用。

#### 1.4 检测巨噬细胞细胞因子mRNA表达

性和扩增效率,本实验重复3次。

IL-1β引物序列:上游5'-TGGAGAGTGTGGATC CCAAG-3';下游5'-GGTGCTGATGTACCAGTTGG-3'。IL-6引物序列:上游5'-ACGCGGAAGGTCC-GATATGGT -3';下游5'-TGCCTGACTTTCGCATTA GC-3'。TNF-α引物序列:上游5'-ATGAGCACTG AAAGCATGATCCGG -3';下游5'-GCAATGATCCCA AAGTAGACCTGC-3'。Arg-1引物序列:上游5'-GGAATCTGCATGGGCAACCTGTGT - 3';下游5'-AGGGTCTACGTCTCGAAGCCA-3'。 IL-10 引物序 列:上游5'-CAACATACTGCTAACCGACTC-3';下游 5'-AATGCTCCTTGATTTCTGG-3'。TGF-β1引物序 列:上游 5'-GTGTGGAGCAACATGTGGAACTCTA-3';下游5'-CGCTGAATCGAAAGCCCTGTA-3'。βactin 引物序列:上游5'-AGGATTCCTATGTGGGC-GAC-3';下游5'-ATAGCACAGCCTGGATAGCAA-3'。 1.5 分离培养PDLCs

收集临床上13~18岁身体健康的正畸志愿者,原代分离培养牙周膜细胞,传至第三代为本实验所用。

#### 1.6 MTT 法检测 PDLCs 的增殖

收集 PDLCs 接种于 96 孔平底板, 调整细胞密度至  $1 \times 10^4$  个/孔, LPS-CM 组为 α-MEM 与 LPS-CM 按 1:1 调配的培养基(提示炎性微环境), Ctrl 组为常规培养基, 37 % 60 0.5 % CO2 解育。检测时每孔加入 10 % MTT溶液(0.5 0 0.5 % L),继续培养 0 0 h后吸去孔内培养基,每孔加入 0 0 0 从二甲基亚砜(DMSO),每组设 0 个复孔, 置摇床上低速振荡 0 min, 酶联免疫测定仪检测波长 0 490 nm 的光密度(optical density, OD)值。连续检测 0 d。

#### 1.7 矿化诱导PDLCs及检测成骨分化指标

将PDLCs 以 1 × 10°个/mL接种于6孔板,按上述分LPS-CM组和Ctrl组,加入矿化诱导剂。诱导培养3 d、7 d后取细胞按ALP assay 试剂盒的使用说明检测ALP活性;取3 d、7 d细胞提取RNA, Real-time PCR检测Runt相关基因2(runt-related transcription factor 2, RUNX2)、骨钙素(osteocalcin, OCN)、I型胶原(collagenI, COL-I) mRNA的表达量,操作流程同上。

RUNX2 引物序列:上游5'-TCCAACCCAC-GAATGCACTAC-3';下游5'-GTAGTGAGTGTGGCG-GACT-3'。OCN 引物序列:上游5'-ACGCG-GAAGGTCCGATATGGT-3';下游5'-TGCCT-GACTTCGCATTAGC-3'。COL-I引物序列:上游5'-

GGACACAATGGATTGCAAGG-3';下游5'-TAAC-CACTGCTCCACTCTGG-3'。GAPDH引物序列:上游5'-TGTGTCCGTCGTGGATCTGA-3';下游5'-TT-GCTGTTGAAGTCGCAGGAG-3'。

取3d、7d细胞, Western Blot检测蛋白表达水 平,用RIPA裂解细胞后提取细胞总蛋白,用蛋白 定量试剂盒测定蛋白浓度,每个样本取50 µg 蛋 白,经SDS-PAGE电泳后,将凝胶中的蛋白转至 PVDF 膜上后在 blockingbuffer 中封闭 1 h。然后分 别滴加 RUNX2、OCN、Col-I、GAPDH 一抗(稀释 比均为1:1000),4℃孵育过夜,TBST洗膜,滴 加1:3 000 稀释的辣根过氧化酶标记的二抗,37 ℃ 孵育2h;再用TBST洗膜后,用ECL系统进行化学 发光显色;最后用Image J 软件对各条带的灰度值 进行分析,并统计各蛋白的相对表达量。诱导培 养14 d后用4%多聚甲醛固定细胞20 min, PBS清 洗后,用2%茜素红染色15 min,倒置显微镜下拍 照观察钙化结节量,后加入氯化十六烷基于室温 下 30 min 后吸取上清液,酶联免疫测定仪检测波长 562 nm的OD值,检测2组钙化量差异。

#### 1.8 统计学分析

采用 SPSS 16.0 统计软件进行数据分析,计量数据以 $\bar{x} \pm s$  表示,两组间比较采用t 检验,P < 0.05 为差异有统计学意义。

#### 2 结 果

#### 2.1 巨噬细胞形态观察

倒置相差显微镜下观察细胞,实验所用巨噬细胞呈圆形(图1a),LPS刺激后体积增大,胞浆丰富(图1b)。

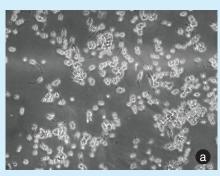
2.2 LPS刺激后巨噬细胞相关细胞因子 mRNA 的 表达

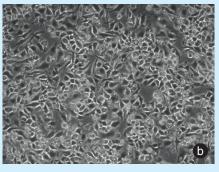
图 2 所示 Real-time PCR 结果显示经 LPS 刺激 4 h后巨噬细胞表达大量的促炎性因子,如 TNF-α、IL-1β、IL-6,而免疫调节和促组织修复的细胞因子如 IL-10、TGF-β1、Arg-1 表达量少。

#### 2.3 PDLCs增殖的检测

-

连续检测 6 d 发现 2 组细胞随时间增加 OD 值逐渐增大,总体趋势 LPS-CM 组低于 Ctrl 组,前 2 d 差异无统计学意义(P > 0.05),3 d时 Ctrl 组 0.428 ± 0.024 高于 LPS-CM 组 0.354 ± 0.031 (t = 4.88, P = 0.015),差异有统计学意义,之后 3 d(4 d、5 d、6 d)的数据统计结果 P 值分别为 0.012、0.015、0.002 (图 3),差异均有统计学意义。

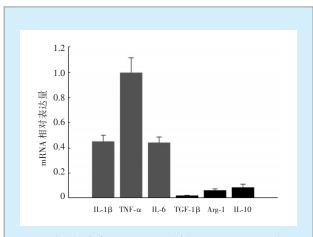




a和b:巨噬细胞呈圆形(a),LPS刺激后体积增大,胞浆丰满(b)。

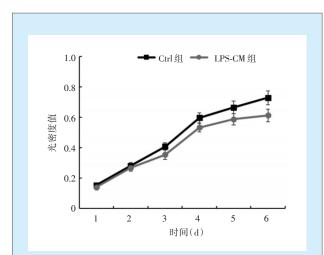
**图** 1 巨噬细胞形态 倒置相差 显微镜 × 100

Figure 1 Morphology of macrophage under inverted phase microscope × 100



IL-1β: 白细胞介素-1β; TNF-α: 肿瘤坏死因子-α; IL-6: 白细胞介素-6; TGF-β1: 转化生长因子-β1; Arg-1: 精氨酸酶-1; IL-10: 白细胞介素-10。

图 2 巨噬细胞相关细胞因子 mRNA 表达 Figure 2 Gene expression of macrophage-related cytokines



MTT 检测 6 d 发现 2 组细胞随时间增大光密度值逐渐增大, 3 d 开始 LPS-CM 组光密度值明显低于 Ctrl 组, 差异有统计 学意义(P < 0.05)。

图3 2组牙周膜细胞的生长曲线

Figure 3 Growth curves of PDLCs of two groups

# 2.4 PDLCs 成骨分化检测

ALP 活性检测结果如图 4 所示, LPS-CM 组ALP 活性高于 Ctrl 组,分别是 3 d 时 1.58 倍 (t = 5.91, P = 0.03);7 d 时为 1.29 倍 (t = 6.01, P = 0.046),2个时段比较差异有统计学意义。

Real-time PCR 检测结果如图 5 所示,同一组RUNX2、OCN、COL-I mRNA的表达量均是 7 d高于3 d,与 Ctrl组相比,相同时段 LPS-CM组成骨相关蛋白 RUNX2、OCN、COL-I的mRNA相对表达量均明显低于Ctrl组,差异均有统计学意义(P < 0.05)。

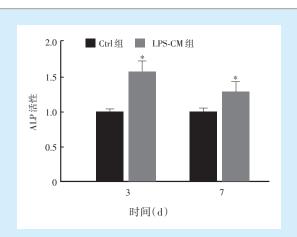
Western Blot 检测结果与相应的 mRNA 表达趋势基本一致,除了 OCN 3 d组时(t=2.75,P=0.056)外,其余显示相应的 RUNX2、OCN、COL-I 的蛋白表达量 LPS-CM 组低于 Ctrl 组(P<0.05),差异有统计学意义(图6)。成骨诱导 14 d 茜素红染色及

钙盐半定量检测对比 Ctrl 组与 LPS-CM 组比较, 钙化 结节 LPS-CM 组少于 Ctrl 组 (t = 8.63, P = 0.048), 差异有统计学意义(图7)。

#### 3 讨论

## 3.1 体内炎性微环境的模拟

炎性微环境是一个涉及多种炎性因子(如TNF-α、IL-1β、IL-6、IL-10)、生长因子、胞外基质、转录活化因子及多种细胞(如单核/巨噬细胞、成纤维细胞)共同作用的复杂的液体环境。单核/巨噬细胞作为免疫系统的重要成员调节体内的炎性微环境, Mosser等[4]按功能将活化的巨噬细胞分为两类, 一是 M1 型巨噬细胞, 分泌大量的炎性因子, 在致炎和促炎过程中引发组织的继发性损伤, 对炎症过程的扩大与恶化起了极其重要的作



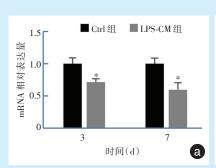
LPS-CM 组 ALP 活性高于 Ctrl 组, 分别是 3 d时 1.58 倍 (a); 7 d时 1.29 倍(b),\*为差异有统计学意义。ALP: 碱性磷酸酶。

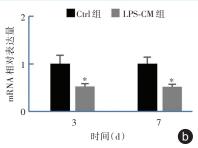
图 4 成骨诱导 3 d、7 d后 ALP 活性检测结果
Figure 4 ALP activity after osteogenic induction for
3 d and 7 d

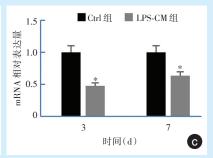
用,主要有 TNF-α、IL-1β、IL-6等;二是 M2 型巨噬细胞,分泌的细胞因子抑制炎症,可以产生胶原,促进创伤愈合和组织修复,主要有 IL-10、TGF-β1、Arg-1等。

健康人血液中单核/巨噬细胞约(17.1±3.2)%表达M2型细胞因子,几乎不表达M1型细胞因子。而肥胖、高血糖人群体内可能出现巨噬细胞活性改变<sup>[5]</sup>,表达较多的促炎性M1型细胞因子,可高达(92.3±1.7)%,M2型细胞因子的表达量低,约占(2.0±1.5)%。

课题组在预实验中发现LPS持续刺激巨噬细胞4h、12h后分泌大量的M1型促炎细胞因子,微量的免疫调节和促组织修复的M2型细胞因子,故用此模拟体内巨噬细胞介导的炎性微环境<sup>[6]</sup>,不同于加入定量的炎症因子,而是多炎症因子组合在一起共同作用。







a:3 d(t = 6.01, P = 0.03)和7 d(t = 10.01, P = 0.01)时, LPS-CM组 RUNX2 mRNA 相对表达量低于 Ctrl组,差异有统计学意义;b:3 d(t = 9.98, P = 0.012)和7 d(t = 15.76, P = 0.002)时, LPS-CM组 OCN mRNA 相对表达量低于 Ctrl组,差异有统计学意义;c:3 d(t = 19.01, P = 0.001)和7 d(t = 14.69, P = 0.007)时,LPS-CM组 COL-I mRNA 相对表达量低于 Ctrl组,差异有统计学意义。\*为P < 0.05。RUNX2:Runt 相关基因 2;OCN:骨钙素;COL-1:I 型胶原。

图 5 成骨诱导 3 d、7 d后 RUNX2、OCN、COL-1 的基因表达情况

Figure 5 mRNA expression of Runx2, OCN and COL-1

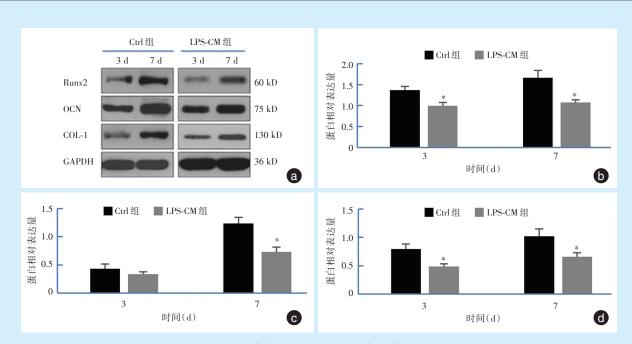
## 3.2 炎性微环境对细胞增殖的影响

细胞增殖是组织再生修复的要素,LPS-CM组中PDLCs受炎性因子影响,增殖率显著低于Ctrl组,Lacey等<sup>[7]</sup>对滑膜细胞增殖的研究中发现,TNF-α、IL-1β通过调节NF-κB信号通路,介导细胞产生各种细胞因子、黏附因子和生长因子,影响细胞周期,抑制细胞的增殖。Pacios等<sup>[8]</sup>研究伴放线杆菌引起的牙周炎症糖尿病动物模型中发现,炎性因子通过促进细胞的凋亡增加骨损伤,所以炎性组的 OD 值在 3 d 时与对照组差异显著可能是增殖

受抑制且伴有凋亡,具体机制需进一步研究。

#### 3.3 炎性微环境对成骨分化的影响

体外培养的PDLCs 在矿化诱导液的作用下,可分化成骨,产生钙化结节,并且表达多种成骨相关蛋白<sup>[9]</sup>,证实了牙周膜细胞成骨分化潜能。实验检测PDLCs 成骨分化早期RUNX2、OCN、COL-I、ALP 4个标记骨组织形成的经典指标,尤其RUNX2 在骨形成过程及成骨细胞分化中起着控制作用,是骨形成的关键基因<sup>[10]</sup>。实验结果显示除了OCN蛋白3d的相对表达量外,炎性组RUNX2、



a: Western Blot 所得 RUNX2、OCN、COL-1 蛋白条带; b、c 和 d: Image J 灰度值分析得 RUNX2、OCN、COL-1 蛋白相对表达量,对照组高于 LPS-CM组,\*为P<0.05。RUNX2:Runt 相关基因2;OCN:骨钙素; COL-1: I 型胶原。

图6 成骨诱导3、7d后RUNX2、OCN、COL-1蛋白表达

Figure 6 Protein expression of Runx2, OCN and COL-1 after osteogenic induction for 3, and 7 d



a 和 b: Alizarin Red 染色(×100)可见 Ctrl组(a)钙化结节多于 LPS-CM组(b); ε: 钙盐半定量测量对比, LPS-CM组低于 Ctrl组,\*为P < 0.05。

图7 牙周膜细胞成骨诱导14 d后茜素红染色观察及钙盐半定量检测

Figure 7 Alizarin red staining results of PDLCs after osteogenic induction for 14 d and semi-quantitative analysis of calcium mineralization

OCN、COL-I mRNA 和蛋白的表达均显著低于对照组,提示成骨受到抑制。传统的LPS直接作用于牙周膜干细胞模拟炎性微环境[11],然后检测细胞成骨分化各指标,结论也是成骨分化受抑制[12-13],与本实验结果基本一致。OCN蛋白3d的相对表达量无差异主要可能因为OCN在成骨中的表达

位于RUNX2的下游,而蛋白表达的变化又晚于mRNA表达的变化,故3d未能体现差异。ALP为骨矿化提供磷酸盐,ALP活性与骨组织矿化呈正相关,本实验的ALP活性检测结果LPS-CM组高于Ctrl组,提示炎性上调矿化能力,而没有胶原COL-I分泌情况下并不能完成骨组织再生。Ding等[14]也发

现在引入TNF-α、IL-1β后,间充质干细胞成骨分化的 COL-I 表达减少,但 ALP 活性显著增强,并以此解释关节炎可同时出现骨质疏松和骨质硬化。而茜素红染色及钙盐半定量分析最终得出 LPS-CM 组钙化结节少于 Ctrl 组,故成骨分化还是明显受到抑制。炎性微环境对骨再生的影响十分复杂,可通过自身促成骨细胞因子,如骨形态发生蛋白-2(bone morphogenetic protein-2,BMP-2)减少抑制骨再生<sup>[15]</sup>,近年来也研究发现 TNF-α、IL-1β 可磷酸化 GSK3β 激酶,从而抑制经典 Wnt/β-catenin 通路的表达,进而抑制间充质干细胞的成骨分化<sup>[16-17]</sup>,当然对于抑制牙周膜细胞成骨分化的具体机制还需进一步研究。本实验在巨噬细胞介导的炎性微环境下成骨诱导 PDLCs,结果显示了牙周组织再生修复是受到抑制的。

炎症是骨组织工程的起始因子,正常且适度的炎性反应是机体的一种防御反应,但长期慢性炎性反应则对机体不利,牙周的再生修复与免疫微环境紧密相关,高炎症性单核/巨噬细胞造成更大牙周组织损害的同时进一步抑制再生修复。因此,通过免疫手段改善炎性微环境能够为牙周炎的再生治疗提供新的治疗策略。

#### 参考文献

- [1] 刘娟, 赵红宇, 轩东英. 人牙周膜细胞群多向分化潜能的实验研究[J]. 华西口腔医学杂志, 2010, 28(2): 185-189.
- [2] Chang ZL. Recent development of the mononuclear phagocyte system: in memory of Metchnikoff and Ehrlich on the 100th Anniversary of the 1908 Nobel Prize in Physiology or Medicine[J]. Biol Cell, 2009, 101(12): 709-721.
- [3] Cekici A, Kantarci A, Hasturk H, et al. Inflammatory and immune pathways in the pathogenesis of periodontal disease[J]. Periodontol 2000, 2014, 64(1): 57-80.
- [4] Mosser DM, Edwards JP. Exploring the full spectrum of macrophage activation[J]. Nat Rev Immunol, 2008, 8(12): 958-969.
- [5] Prieur X, Mok CY, Velagapudi VR, et al. Differential lipid partitioning between adipocytes and tissue macrophages modulates macrophage lipotoxicity and M2/M1 polarization in obese mice[J].

- Diabetes, 2011, 60(3): 797-809.
- [6] Han SW, Chen ZT. Activation of macrophages by lipopolysaccharide for assessing the immunomodulatory property of biomaterials [J]. Termis, 2015, 5(1): 19-28.
- [7] Lacey D, Sampey A, Mitchell R, et al. Control of fibroblast-like synoviocyte proliferation by macrophage migration inhibitory factor [J]. Arthritis Rheum, 2003, 48(1): 103-109.
- [8] Pacios S, Andriankaja O, Kang J, et al. Bacterial infection increases periodontal bone loss in diabetic rats through enhanced apoptosis[J]. Am J Pathol, 2013, 183(6): 1928-1935.
- [9] 李颖, 张文元, 杨亚冬, 等. 人牙周膜细胞在矿化液作用下的增殖、成骨分化与相关基因表达[J]. 口腔医学研究, 2014, 1(1): 48-51, 56.
- [10] Luca D, Carbonare L, Innamorati G, et al. Transcription factor RUNX2 and its application to hone tissue engineering[J]. Stem Cell Rev, 2012, 8(3): 891-897.
- [11] 杨俊, 陈兴兴, 方煌, 等. LPS 对人牙周膜细胞 Toll 样受体 4 及下游炎症因子表达的影响[J]. 临床口腔医学杂志, 2014, 30 (11): 689-691.
- [12] Kato H, Taguchi Y, Tominaga K, et al. Porphyromonas gingivalis LPS inhibits osteoblastic differentiation and promotes pro-inflammatory cytokine production in human periodontal ligament stem cells[J]. Arch Oral Biol, 2014, 59(2): 167-175.
- [13] 袁萍, 李淑慧, 赵璐, 等. 炎症微环境下人牙周膜干细胞的生物 学特性[J]. 中国组织工程研究, 2016, 20(6): 898-905.
- [14] Ding J, Ghali O, Lencel P, et al. TNF-alpha and IL-1beta inhibit RUNX2 and collagen expression but increase alkaline phosphatase activity and mineralization in human mesenchymal stem cells [J]. Life Sci, 2009, 84(15/16): 499-504.
- [15] Huang RL, Yuan Y, Zou GM, et al. LPS-stimulated inflammatory environment inhibits BMP-2-induced osteoblastic differentiation through crosstalk between TLR4/MyD88/NF-κB and BMP/Smad signaling[J]. Stem Cells Dev, 2014, 23(3): 277-289.
- [16] Liu N, Shi ST, Deng MJ, et al. High levels of beta-Catenin signaling reduce osteogenic differentiation of stem cells in inflammatory microenvironments through inhibition of the noncanonical Wnt pathway[J]. J Bone Miner Res, 2011, 26(9): 2082-2095.
- [17] Kong X, Liu Y. GSK3beta is a checkpoint for TNF-alpha mediated impaired osteogenic differentiation of mesenchymal stem cells in inflammatory microenvironments[J]. Biochim Biophys Acta, 2013, 1830(11): 5119-5129.

(编辑 张琳,曾曙光)